

Designação do projeto | **EUP-AHW** - European Partnership for Animal Health and Welfare - **SOA8:** Surveillance of pathogens of veterinary importance and their antimicrobial resistance profiles (OO1 Action 4)

Website: https://www.eupahw.eu/

https://www.eupahw.eu/pdf/projects/priority-%20area-1-red/JIPs SOA8.pdf

Código do projeto | 101136346

Objetivo principal A Parceria Europeia para a Saúde e o Bem-Estar dos Animais (EUP AH&W) proporcionará à sociedade uma produção sustentável de animais terrestres e aquáticos, em que as doenças infeciosas dos animais são prevenidas e controladas, os antimicrobianos são utilizados de forma prudente e é proporcionado um elevado nível de bem-estar dos animais em todas as fases da sua vida. Os objetivos da EUP AH&W enquadram-se no Pacto Ecológico Europeu e na sua estratégia associada "Do prado ao prato" para um sistema alimentar justo, saudável e amigo do ambiente.

Região de intervenção | 16 ações da Agenda Estratégica de Investigação e Inovação da EUP (EUP SRIA)

Entidade beneficiária Instituto Nacional de Investigação Agrária e Veterinária, I.P.

Data da aprovação | 17-07-2023

Data de início | 01-01-2024

Data de conclusão 31-12-2030

Custo total elegível | 105.593.485,02 €

Apoio financeiro da União Europeia | INIAV - 50% (Total elegível de 76.646,10€)

Objetivos, atividades e resultados esperados

O consórcio SOA8: Surveillance of pathogens of veterinary importance and their antimicrobial resistance profiles (OO1 Action 4) tem como objetivo principal a vigilância de agentes patogénicos de importância veterinária, com perfis de resistência antimicrobiana (RAM), em animais da cadeia alimentar, de ambientes terrestes e aquáticos. Neste consórcio pretende-se: 1) mapear os programas de monitorização nacionais e da UE existentes para a RAM em agentes patogénicos animais, 2) identificar combinações de elevada prioridade a nível nacional e da UE de agentes patogénicos-RAM para cada espécie pecuária e 3) recomendar um modelo para a vigilância harmonizada da UE da RAM em



agentes patogénicos animais (incluindo o alinhamento da estratégia de amostragem, métodos laboratoriais, metadados normalizados e análise de dados).

As atividades desenvolvidas incluem:

- Abordar a metodologia de teste de suscetibilidade antimicrobiana não avaliada anteriormente para bactérias de animais aquáticos e propor ECOFFs (critérios epidemiológicos de cut-off) e *breakpoints* clínicos para agentes patogénicos bacterianos selecionados (ligação com consórcio EARS-VET/EU-JAMRAI).
- Mapeamento do uso da genómica na monitorização de agentes patogénicos de importância veterinária e genética de RAM determinantes nos animais produtores de alimentos terrestres e aquáticos, nas instalações da exploração e no ambiente envolvente nos países europeus.
- Desenvolver centros para dados genómicos e selecionar/desenvolver ferramentas para análise e visualização de agentes patogénicos e vigilância da RAM utilizando dados do WGS, harmonizados com os dados genómicos nacionais e europeus do sistema de vigilância *One Health*.
- Mapear a incidência e prevalência de agentes patogénicos selecionados e genes de resistência identificados por sequenciação do completa do genoma (WGS) de isolados de animais e do ambiente circundante, incluindo animais selvagens.
- Reunir os dados existentes de vigilância passiva de agentes patogénicos de todos os países parceiros e comparar/descrever perfis de resistência que ocorrem em diferentes componentes de vigilância; avaliar o potencial de transferência de resistência entre componentes de vigilância.

Os resultados gerados pelo sistema de monitorização proposto permitirão estabelecer a ligação entre a saúde animal e o sucesso/insucesso do tratamento com antibióticos e, assim, desenvolver uma gestão antimicrobiana informada para os animais produtores de alimentos. As recomendações devem incluir um modelo para interação com outros programas de monitorização da RAM, incluindo bactérias indicadoras/zoonóticas provenientes de animais produtores de alimentos, bactérias patogénicas provenientes de seres humanos e bactérias indicadoras/zoonóticas/patogénicas provenientes de vida selvagem (terrestres e aquáticas). Estes resultados apoiarão futuros estudos de avaliação da transmissão de bactérias resistentes e de determinantes genéticos de resistência (genes de resistência, elementos genéticos móveis) entre os animais da cadeia alimentar, os seres humanos e o ambiente.