



Designação do projeto | DISCoVeR – Discovering the sources of *Salmonella*, *Campylobacter*, STEC/VTEC and Antimicrobial Resistance

Código do projeto | 773830 – DISCoVeR

Objetivo principal |

O foco principal deste projeto será enfrentar os desafios da atribuição de causas nos três principais agentes bacterianos zoonóticos transmitidos via cadeia alimentar: *Salmonella* spp., *Campylobacter jejuni/coli*, e *Escherichia coli* produtora de shiga toxina/vero toxina (STEC/VTEC), incluindo os seus perfis de antibioresistência, de um modo interdisciplinar, através de uma abordagem abrangente e aplicando várias metodologias e modelos diferentes de modo comparativo, no conceito *One Health*.

Região de intervenção | Dinamarca, Suécia, Noruega, Polónia, República Checa, Itália, Espanha, Portugal, Holanda, França e Reino Unido (19 instituições)

Entidade beneficiária | Instituto Nacional de Investigação Agrária e Veterinária, I.P.

Data da aprovação | 2019/09/19

Data de início | 2020/01/02

Data de conclusão | 2022-12-31

Custo total elegível | 117 177,50 €

Apoio financeiro da União Europeia | 51 558.10€

Objetivos, atividades e resultados esperados

Objetivos:

- ✓ Preencher as lacunas atuais de conhecimento em relação a potenciais causas de zoonoses transmitidas por alimentos, incluindo dados sobre reservatórios não

animais e causas não alimentares, fornecendo assim estimativas de atribuição de causas em diferentes pontos da cadeia de exposição nos vários países da UE.

- ✓ Avaliar criticamente e melhorar os modelos de atribuição de causas existentes, incluindo abordagens baseadas em subtipagem microbiana, estudos de controle de casos, investigação em surtos e avaliação de exposição.
- ✓ Quantificar as contribuições dos vários reservatórios animais, incluindo animais selvagens e de companhia, causas alimentares e ambientais, e vias de transmissão, considerando as diferenças geográficas em toda a Europa e os parceiros do consórcio.
- ✓ Utilização de técnicas de tipagem fenotípica e genómica, para a caracterização da resistência dos vários agentes zoonóticos aos antimicrobianos, bem como dados epidemiológicos, para atribuição de causa.
- ✓ Melhorar os modelos de atribuição de causas existentes e desenvolver novos que sejam responsáveis pela multidirecionalidade da transmissão, incluindo a transmissão entre reservatórios e a população humana.
- ✓ Fornecer recomendações sobre a transferência de resultados obtidos a partir dos modelos de atribuição de causa, para ações de prevenção e controle.

Atividades

- ✓ Identificação e recolha de dados entre os vários parceiros do projeto, considerando os requisitos estabelecidos. O trabalho será iniciado através do mapeamento dos dados existentes e estabelecimento de uma plataforma conjunta de compartilhamento de dados. Os dados serão organizados de acordo com o agente patogénico e o tipo de abordagem de atribuição de causa, região geográfica/país.
- ✓ Recolha de amostras provenientes de animais selvagens e de companhia durante o ano de 2020, para isolamento de *Salmonella*, *Campylobacter*, *VTEC* e suscetibilidade antimicrobiana das estirpes isoladas e identificadas

Resultados esperados:

- ✓ Abordagem metodológica de atribuição de causas dentro do conceito *One-Health* para vigilância e controlo de *Salmonella*, *Campylobacter*, *VTEC* e resistência antimicrobiana: opções, necessidades, priorização.
- ✓ Resultados de atribuição de causas obtidos para os vários agentes zoonóticos serão apresentados regionalmente / país, para cada um dos métodos aplicados.